

SNP 亲子鉴定检测试剂盒说明书

说明书版本号：V1.0

版本历史

使用手册版本	修订日期	修订内容摘要
A0	2025 年 1 月 1 日	首次发布

仅供科研使用

江阴检汇生物科技有限公司 版权所有

SNP 亲子鉴定检测试剂盒说明书

在科研上，**SNP** 亲子鉴定试剂盒具有广泛用途。除了可用于检测父母子、亲子、兄弟、姐妹之间的关系外，在进行遗传病家系分析时，为了排除非亲子关系带来的突变位点干扰，也需要进行亲子鉴定。

SNP 亲子鉴定检测试剂盒是基于 **MLPA-NGS** 技术开发的检测试剂盒。在 **CNV** 检测方面，该试剂盒包含常染色体 4 个位点，X 染色体 5 个位点，Y 染色体 3 个位点，用于辅助判断检测质量、样本性别等。在 **SNP** 检测方面，则涵盖常染色体 105 个位点，X 染色体 20 个位点，Y 染色体 114 个位点。另外，该试剂盒还包含 12 个拟 **SNP** 位点，作为 **SNP** 位点的质量控制。详细情况参见 **SNP** 亲子鉴定检测试剂盒说明书。

在您使用该试剂盒前，请阅读 **MLPA-NGS** 技术原理与通用实验流程。在实验流程中，通过模板解链、探针与模板杂交、使用连接酶将杂交到模板上相邻探针连接后，需使用带有不同 **index** 的引物扩增连接探针，以便使每个样本带有不同的 **index**。我们提供了 8 条正向 (**Forward**) 引物 (森林绿色, **ForestGreen**) 和 12 条反向 (**Reverse**) 引物 (红色, **Red**)，可产生 96 种组合，从而实现一次最多混样上机测序 96 个样本的性能。在实验测序样本标签及测序单模板文件中，输入引物编号，可显示 **index** 序列，用于填写测序单。

SNP 亲子鉴定检测试剂盒包含的检测位点，见 **SNP** 亲子鉴定检测试剂盒位点信息，该文件包含了每个位点的核心序列或 **SNP**，核心序列或 **SNP** 在染色体上的位置，每个位点进行 **reads** 分析时所用左、中、右标签的序列，绘图时柱体与柱头的颜色，以及一些其他注释等。

为方便用户分析，我们为用户提供了一批核心家系 **SNP** 亲子鉴定样本的 **fastQ** 文件。**fastQ** 文件是根据实际测试样本，使用软件模拟生成的，非实际人源样本，但具有实际样本的全部性质。每三个样本为 1 组，依次是孩子，父亲，母亲。用户可下载该批文件，使用 **MLPA-NGS Analyzer** 软件的“**fastQ analysis**”模块进行分析。软件下载和软件使用方法见本网站“软件下载”部分。分析时，用户把 **fastQ** 文件放入某个文件夹，使用 **MLPA-NGS Analyzer** 软件打开该文件夹，点击“检索”导入全部 **fastQ** 文件，全选或选择部分文件后再点击“运行”，即可获得每个位点的 **reads** 等信息，并最后生成两个文件，一为机读工程文件，后缀为 **mIn**，另一为人读工程文件，即 **Excel** 文件。两个文件内容一致，都包含每个样本的 **reads**，**SNP** 分型等信

息。为方便用户，本网站已将分析该批样本所得 SNP 亲子鉴定机读工程文件和 SNP 亲子鉴定人读工程文件放置下方，用户可直接下载。使用 MLPA-NGS Analyzer 软件的“CNV analysis”模块，可打开 SNP 亲子鉴定机读工程文件，阅读和分析 CNV 绘图等数据。在模拟分析时，需先进行分组和亲缘赋值。如亲缘关系选择“父母子”，由于鼠标是按照“父亲、母亲、孩子”的顺序赋值的，而样本是按照“孩子、父亲、母亲”的顺序排列的，点击时，请先点击第二个样本，再点击第三个样本，最后点击第一个样本，以获得正确的顺序。待完善

联系我们

生产企业：江阴检汇生物科技有限公司

生产地址：江苏省江阴市要塞路海澜财富中心东侧

客服电话：

邮 箱 ： jyjianhui@163.com

网 址 ： www.mlpangs.com